

الامتحان الوطني الموحد للبكالوريا

الملكية الدولة

الدورة العاشرة 2024



المملكة المغربية
وزارة التربية الابتدائية
والتعليم الأولي والرياضة
المعهد المركب للتقدير والتقويم
الدار البيضاء - المغرب

SSSSSSSSSSSSSSSSSSSS-SSSS

عناصر الاجابة

NR 36F

2h

الإدخار

علوم الحياة والأرض

الملحق

3

1418411

شعبية العلوم الرياضية مسلك العلوم الرياضية (أ) (خيار فرنسية)

الطباطبائي

Question	Eléments de réponse	Barème
Partie I : Restitution des connaissances (5 pts)		
I	<p>1. Définitions (Accepter toute définition correcte, à titre d'exemple) :</p> <ul style="list-style-type: none"> a. Méiose : Succession de deux divisions (réductionnelle et équationnelle) de cellules diploïdes aboutissant à la formation de cellules haploïdes(0.5 pt) b. Caryotype : Représentation de l'ensemble des chromosomes métaphasiques d'une cellule, organisés et classés selon différents critères dont la taille et la position du centromère(0.5 pt) <p>2. a. Différences entre brassage intrachromosomique et brassage interchromosomique (accepter deux différences parmi):(0.25 pt × 2)</p> <ul style="list-style-type: none"> - Le brassage intrachromosomique se déroule pendant la prophase I alors que le brassage interchromosomique se déroule en anaphase I. - Le brassage intrachromosomique résulte du crossing-over, alors que le brassage interchromosomique résulte de la séparation aléatoire des chromosomes homologues. - Le brassage intrachromosomique concerne les chromosomes homologues, alors que le brassage interchromosomique concerne les paires de chromosomes. <p>b. Caractéristiques d'une cellule en anaphase I (accepter deux caractéristiques telles que):</p> <ul style="list-style-type: none"> - Séparation des chromosomes homologues sans clivage des centromères.(0.25 pt) - Formation de deux lots chromosomiques haploïdes et chaque chromosome est bichromatidien.....(0.25 pt) 	2 pts
II	(1 ; b) ; (2 ; b) ; (3 ; a) ; (4 ; d)(0.5 pt × 4)	2 pts
III	a: Faux; b: Vrai ; c: Faux ; d: Faux(0.25 pt × 4)	1 pt

Partie II : Raisonnement scientifique et communication écrite et graphique (15 pts)

Exercice 1 : (5 pts)

	Mode de transmission des deux gènes étudiés :	
	+ Premier croisement :	
	- Les deux gènes sont portés par des autosomes.....(0.25 pt)	
	- L'allèle responsable des soies normales est dominant et l'allèle responsable des soies courtes est récessif(0.25 pt)	
	- L'allèle responsable des yeux rouges est dominant et l'allèle responsable des yeux marron est récessif(0.25 pt)	
1	Justification : La génération F ₁ est homogène à soies normales et aux yeux rouges et le croisement réciproque a donné les mêmes résultats(0.25 pt)	1.5 pt
	+ Deuxième croisement :	
	Les deux gènes sont indépendants.....(0.25 pt)	
	Justification : Le deuxième croisement est un croisement-test qui a donné une génération F ₂ composée de 4 phénotypes de proportions égales.(0.25 pt)	

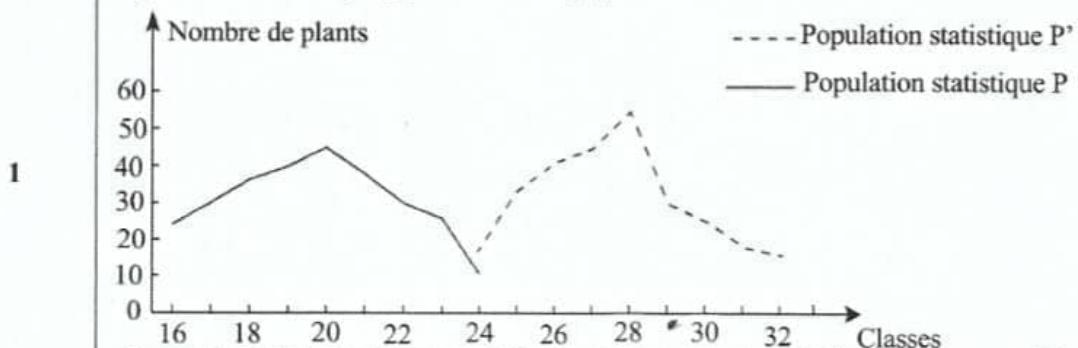
- La probabilité qu'elle soit hétérozygote est de $1/2$ car elle est saine et issue d'une mère hétérozygote..... (0.25 pt)
 - L'échiquier de croisement dans ce cas :(0.5 pt)

$\gamma \text{ III}_3 \text{♀}$	$X^F 1/2$	$X^f 1/2$
$\gamma \text{ III}_2 \text{♂}$	$X^F X^F \text{ ♀ [F]} 1/4$	$X^F X^f \text{ ♀ [F]} 1/4$
$Y 1/2$	$X^F Y \text{ ♂ [F]} 1/4$	$X^f Y \text{ ♂ [f]} 1/4$

- La probabilité pour que le couple $(\text{III}_2 \times \text{III}_3)$ donne naissance à un garçon atteint est : $1/4 \times 1/2 = 1/8$ (0.25 pt)

Exercice 3 : (5 pts)

Représentation des polygones des deux populations :



- Respect de l'échelle des deux axes (0.5 pt), polygones corrects (0.5 pt) pour chaque population.

Déduction :

- P : population homogène \rightarrow distribution unimodale des fréquences..... (0.25 pt)
- P' : population homogène \rightarrow distribution unimodale des fréquences(0.25 pt)

1.5 pt

0.5 pt

Tableau d'application correct du calcul des paramètres statistiques (0.25 pt pour chaque colonne excepté les deux premières colonnes)..... (1 pt)

Classes (x_i)	f	f_{x_i}	$x_i - \bar{x}$	$(x_i - \bar{x})^2$	$f_{x_i} (x_i - \bar{x})^2$
16	24	384	- 3.72	13.8384	332.1216
17	30	510	- 2.72	7.3984	221.952
18	36	648	- 1.72	2.9584	106.5024
19	40	760	- 0.72	0.5184	20.736
20	45	900	0.28	0.0784	3.528
21	38	798	1.28	1.6384	62.2592
22	30	660	2.28	5.1984	155.952
23	26	598	3.28	10.7584	279.7184
24	11	264	4.28	18.3184	201.5024
Total	280	5522			1384.272

1.5 pt

Moyenne arithmétique : $\bar{x} = 19.72$ (0.25 pt)

Ecart type : $\sigma = 2.22$ (0.25 pt)

NB : Accepter des valeurs ± 0.01

4

- Population P : $C_v = 2.22/19.72 = 0.11 \rightarrow$ Bonne homogénéité. (0.25 pt $\times 2$)
- Population P' : $C_v = 2.14 / 27.66 = 0.077 \rightarrow$ Excellente homogénéité. (0.25 pt $\times 2$)

1 pt

5

La variété T₂ est la plus adaptée au climat sec. (0.25 pt)

Justification : Les deux variétés sont cultivées dans les mêmes conditions de sécheresse et on a obtenu une moyenne arithmétique, un mode et un degré d'homogénéité plus élevés chez P' (0.25 pt)

0.5 pt

	<p>L'interprétation chromosomique du deuxième croisement :</p> <table style="margin-left: auto; margin-right: auto;"> <tr> <td style="text-align: center;">$F_1 \quad ♀$</td><td style="text-align: center;">×</td><td style="text-align: center;">$\♂$ Individu double homozygote</td></tr> <tr> <td>Phénotypes :</td><td style="text-align: center;">[S ; B]</td><td style="text-align: center;">[A ; b]</td></tr> <tr> <td>Génotypes : (0.25 pt)</td><td style="text-align: center;">(S//A ; B//b)</td><td style="text-align: center;">(A//A ; b//b)</td></tr> <tr> <td></td><td style="text-align: center;">↓</td><td style="text-align: center;">↓</td></tr> <tr> <td>Gamètes : (0.5 pt)</td><td style="text-align: center;">1/4 S/B/ ; 1/4 S/b/ ; 1/4 A/B/ ; 1/4 A/b/</td><td style="text-align: center;">A/b/ 1</td></tr> </table> <p>Échiquier de croisement (0.5 pt)</p> <table border="1" style="margin-left: auto; margin-right: auto;"> <tr> <td style="text-align: center; padding: 5px;">♀ $F_1 \quad ♀$</td><td style="text-align: center; padding: 5px;">S/ B/ 1/4</td><td style="text-align: center; padding: 5px;">S/ b/ 1/4</td><td style="text-align: center; padding: 5px;">A/ B/ 1/4</td><td style="text-align: center; padding: 5px;">A/ b/ 1/4</td></tr> <tr> <td style="text-align: center; padding: 5px;">♂</td><td style="text-align: center; padding: 5px;">S//A ; B//b</td><td style="text-align: center; padding: 5px;">S//A ; b//b</td><td style="text-align: center; padding: 5px;">A//A ; B//b</td><td style="text-align: center; padding: 5px;">A//A ; b//b</td></tr> <tr> <td style="text-align: center; padding: 5px;">A/ b/ 1</td><td style="text-align: center; padding: 5px;">[S,B] 1/4</td><td style="text-align: center; padding: 5px;">[S,b] 1/4</td><td style="text-align: center; padding: 5px;">[A,B] 1/4</td><td style="text-align: center; padding: 5px;">[A,b] 1/4</td></tr> </table> <p>Génération F_2: [S , B] 1/4 ; [S , b] 1/4 ; [A , B] 1/4 ; [A , b] 1/4(0.25 pt)</p>	$F_1 \quad ♀$	×	$\♂$ Individu double homozygote	Phénotypes :	[S ; B]	[A ; b]	Génotypes : (0.25 pt)	(S//A ; B//b)	(A//A ; b//b)		↓	↓	Gamètes : (0.5 pt)	1/4 S/B/ ; 1/4 S/b/ ; 1/4 A/B/ ; 1/4 A/b/	A/b/ 1	♀ $F_1 \quad ♀$	S/ B/ 1/4	S/ b/ 1/4	A/ B/ 1/4	A/ b/ 1/4	♂	S//A ; B//b	S//A ; b//b	A//A ; B//b	A//A ; b//b	A/ b/ 1	[S,B] 1/4	[S,b] 1/4	[A,B] 1/4	[A,b] 1/4	1.5 pt
$F_1 \quad ♀$	×	$\♂$ Individu double homozygote																														
Phénotypes :	[S ; B]	[A ; b]																														
Génotypes : (0.25 pt)	(S//A ; B//b)	(A//A ; b//b)																														
	↓	↓																														
Gamètes : (0.5 pt)	1/4 S/B/ ; 1/4 S/b/ ; 1/4 A/B/ ; 1/4 A/b/	A/b/ 1																														
♀ $F_1 \quad ♀$	S/ B/ 1/4	S/ b/ 1/4	A/ B/ 1/4	A/ b/ 1/4																												
♂	S//A ; B//b	S//A ; b//b	A//A ; B//b	A//A ; b//b																												
A/ b/ 1	[S,B] 1/4	[S,b] 1/4	[A,B] 1/4	[A,b] 1/4																												
3	<p>a. Les gènes "eb" et "ss" sont liés car (Accepter tout raisonnement correct tel) :</p> <ul style="list-style-type: none"> - Le croisement 4 est un croisement-test qui a donné une génération F'_2, composée seulement de deux phénotypes parentaux.(0.25 pt) - L'absence de phénotypes recombinés dans la descendance (F'_2) ne permet pas de calculer la distance entre les deux gènes étudiés.(0.25 pt) <p>b. Le croisement qui permet de calculer la distance entre le gène "eb" et le gène "ss" :</p> <p>♀ F'_1(à soies normales et à corps gris) x ♂ (à soies courtes et à corps noir)(0.5 pt)</p> <p>Les génotypes des parents :</p> <ul style="list-style-type: none"> - La femelle F'_1 : $\frac{S\ E}{A\ e}$ - le mâle à soies courtes et à corps noir : $\frac{A\ e}{A\ e}$(0.25 pt×2) 	1.5 pt																														
4	<p>- Le pourcentage des phénotypes recombinés attendu correspond à la distance entre les deux gènes (eb) et (ss) :</p> <p>70 cM - 58 cM = 12 cM ce qui correspond à 12%(0.25 pt)</p> <p>- Le pourcentage des phénotypes parentaux attendu est égale à :</p> <p>100% - 12 % = 88%(0.25 pt)</p>	0.5 pt																														
Exercice 2 : (5 pts)																																
1	<p>Mode de transmission de cette maladie (Accepter toute justification logique):</p> <ul style="list-style-type: none"> - Les parents I_1 et I_2 sont sains et ont eu un enfant atteint (II_3), donc l'allèle responsable de la maladie est récessif.....(0.5 pt) - Présence d'un homme atteint (III_5) dont le père (II_5) est sain et ne porte pas l'allèle morbide, donc le gène responsable de la maladie n'est pas porté par un autosome et non plus par le chromosome Y, donc le gène étudié est porté par le chromosome X. .. (0.5 pt) 	1 pt																														
2	<p>Confirmation de la réponse à la question 1 (Accepter toute réponse correcte) :</p> <ul style="list-style-type: none"> - Les individus III_1 et III_4 sont hétérozygotes et sains → l'allèle morbide est récessif.(0.5 pt) - Chez les hommes (III_2 et III_5) le gène responsable de la maladie est représenté par un seul allèle → Il est porté par le chromosome X(0.5 pt) 	1 pt																														
3	<p>Génotype des individus :</p> <p>II_4 : X^FX^f femme saine qui a un garçon atteint(0.5 pt)</p> <p>III_1 : X^FX^f femme saine portant les deux allèles(0.5 pt)</p> <p>III_5 : X^fY homme atteint.....(0.5 pt)</p>	1.5 pt																														
4	<p>La probabilité pour que le couple ($III_2 \times III_3$) donne naissance à un garçon atteint :</p> <ul style="list-style-type: none"> - Le père III_2 est sain, son génotype est : X^FY.(0.25 pt) - Pour avoir un garçon atteint, la mère III_3 doit être hétérozygote avec un génotype : X^FX^f(0.25 pt) 	1.5 pt																														